



Diego Ariel Galeano Galeano

Dr.	
Nombre en citaciones bibliográficas: D. Galeano o Diego Galeano	Sexo: Masculino
Nacido el 05-12-1989 en Hohenau-Encarnación, Paraguay. De nacionalidad Paraguaya.	

Datos del PRONII

Área: **Ingeniería y Tecnología - Activo**
Categorización Actual: **Nivel I - Res.: 570/2022**
Ingreso al PRONII: **Nivel Candidato a Investigador - Res.: 303/2018**

Información de Contacto

Mail: **diegogaleano05@gmail.com**

Áreas de Actuación

- 1 Ingeniería y Tecnología, Ingeniería Eléctrica, Ingeniería Electrónica e Ingeniería de la Información, Ingeniería Eléctrica y Electrónica,
- 2 Ciencias Naturales, Ciencias de la Computación e Información, Ciencias de la Información y Bioinformática,

Formación Académica/Titulación

2015-2020 Doctorado - MPhil/PhD Computer Science
Royal Holloway, University of London, Inglaterra
Título: Bioinformatics & Medical Applications , Año de Obtención: 2020
Tutor: PhD. Alberto Paccanaro
Sitio web de la tesis/disertación: <https://pure.royalholloway.ac.uk/portal/en/persons/diego-galeano-galeano>
Áreas de Conocimiento: Ingeniería y Tecnología, Otras Ingenierías y Tecnologías, Otras Ingenierías y Tecnologías, Computer Science;

2008-2014 Grado - Ingeniería Electrónica
Universidad Católica "Nuestra Señora de la Asunción", Paraguay
Título: Desarrollo de una plataforma de bajo costo para evaluación y rehabilitación del control postural, Año de Obtención: 2014
Tutor: PhD. Fernando Brunetti
Becario de: Presidencia de la República, Paraguay
Áreas de Conocimiento: Ingeniería y Tecnología, Ingeniería Eléctrica, Ingeniería Electrónica e Ingeniería de la Información, Ingeniería Eléctrica y Electrónica, ;

Formación Complementaria

2019 Congresos Iberdiscap
X Congreso Iberoamericano de Tecnologías de Apoyo a la Discapacidad, Paraguay

2019 Congresos neurIPS
Conference on Neural Information Processing Systems, Canadá

2018 Congresos IJCNN
International Joint Conference on Neural Networks, Brasil

2018 Congresos British Colloquium for Theoretical Computer Science
Royal Holloway, University of London, Inglaterra

2017 Congresos CLEI
XLIII Latin American Computer Conference , Argentina

2017 Congresos Iberdiscap
X Congreso Iberoamericano de Tecnologías de Apoyo a la Discapacidad, Paraguay

2016 Congresos CLEI, Valparaiso
XLII Latin American Computing Conference, Chile

2014 Congresos AITADIS
VI Jornadas AITADIS de Tecnologías de Apoyo a la Discapacidad, Paraguay

2013 Congresos NEUROTECHNIX
International Congress on Neurotechnology, Electronics and Informatics, Portugal

- 2017 Otros Research Fellow in Bioinformatics
Yale University, Estados Unidos
- 2020-2021 Postdoctorado
Fundação Getúlio Vargas - RJ, Brasil
Título: Programa de posdoctorado en Data Science
- 2017 Seminarios Learning and Influencing Commuter Behavior with Data and Dollars by Balaji Prabhakar
Yale University, Estados Unidos
- 2017 Seminarios Annual Hartigan Lecture by Peter Bickel
Yale University, Estados Unidos
- 2017 Seminarios Seminario de Ingeniería Médica y Biología - SIMEBI
Universidad Paraguayo Alemana, Paraguay
- 2017 Seminarios Higher-order organization of complex networks by Jure Leskovec
Yale Institute for Network Science, Estados Unidos
- 2017 Seminarios "Social Network Experiments" Speaker: Professor Nicholas Christak
Yale University, Estados Unidos
- 2017 Seminarios Disease Dynamics on a Network Game: a Little Empathy Goes a Long Way by Ceyhun Eksin
Yale University, Estados Unidos
- 2017 Seminarios Monitoring Translation in Time and Space with Ribosome Profiling by Jonathan S. Weissman
Yale University, Estados Unidos
- 2017 Seminarios Harnessing Bandwidth with Multipath TCP: From Theory to Implementation
Yale Institute for Network Science, Estados Unidos
- 2017 Seminarios Hunting for Earths in Noisy Data-by Debra Fischer
Yale University, Estados Unidos
- 2017 Seminarios Methods for Deep Natural Language Processing by Dragomir Radev
Yale University, Estados Unidos
- 2017 Seminarios Understanding Cellular Heterogeneity-by Sarah Teichmann
Yale University, Estados Unidos
- 2017 Seminarios Inference and structure discovery in protein interaction networks by Alberto Paccanaro
Yale University, Estados Unidos
- 2017 Seminarios Disease Dynamics on a Network Game: a Little Empathy Goes a Long Way
Yale Institute for Network Science, Estados Unidos
- 2016 Seminarios Tool Support for Component-Based Semantics
Royal Holloway, University of London, Inglaterra
- 2016 Seminarios Epidemics, Erdos numbers, and the Internet
Alan Institute of Mathematics, Inglaterra
- 2016 Seminarios InSTIL seminar series
Royal Holloway, University of London, Inglaterra
- 2016 Seminarios Subtyping in Type Theories with Canonical Objects
Royal Holloway, University of London, Inglaterra
- 2016 Seminarios CEDAS Seminar Series
Royal Holloway, University of London, Inglaterra
- 2016 Seminarios High-Dimensional Learning and Deep Neural Networks
Alan Institute of Mathematics, Inglaterra
- 2021 Simposios SLIOIA/CLE
Simposio Latinoamericano de Investigación de Operaciones e Inteligencia Artificial, SLIOIA/CLE, Costa Rica
Áreas de Conocimiento: Ingeniería y Tecnología, Ingeniería Eléctrica, Ingeniería Electrónica e Ingeniería de la Información, Ingeniería de Sistemas y Comunicaciones, Inteligencia Artificial;
- 2017 Talleres Yale Graduate Writing Lab
Yale University, Estados Unidos

Idiomas

Inglés	Comprende: muy bien	Habla: muy bien	Lee: muy bien	Escribe: muy bien
Español	Comprende: muy bien	Habla: muy bien	Lee: muy bien	Escribe: muy bien
Guaraní	Comprende: muy bien	Habla: bien	Lee: bien	Escribe: regular

Institución principal donde desarrolla sus actividades

Facultad de Ingeniería - FIUNA

Actuación Profesional

Consejo Superior de Investigaciones Científicas - CSIC

Vínculos con la Institución

2014 - 2014 **Investigador asistente** C. Horaria: 40
 Régimen: Dedicación total
 Otras Informaciones: Research visiting at the Neural Rehabilitation Group during my Eng. thesis under the supervision of PhD. Diego Torricelli
<http://www.neuralrehabilitation.org/en/>

Actividades

3/2013 - 2/2014 Líneas de Investigación, Consejo Superior de Investigaciones Científicas
A tool for balance control and multimodal interfaces
 Participación: Integrante del Equipo
 Descripción: Balance control plays a key role in neuromotor rehabilitation after stroke or spinal cord injuries. Computerized dynamic posturography (CDP) is a classic technological tool to assess the status of balance control and to identify potential disorders. Despite the more accurate diagnosis generated by these tools, the current strategies to promote rehabilitation are still limited and do not take full advantage of the technologies available. We developed a novel balance training platform which combines a CDP device made from low-cost interfaces, such as the Nintendo Wii Balance Board and the Microsoft Kinect. In addition, it integrates a custom electrical stimulator that uses the concept of muscle synergies to promote natural interaction. The aim of the platform is to support the exploration of innovative multimodal therapies. Results include the technical validation of the platform using mediolateral and anteroposterior sways as basic balance training therapies.
 Integrantes: D. Galeano; F. Brunetti; D. Torricelli; S. Piazza;
 Áreas de Conocimiento: Ingeniería y Tecnología, Ingeniería Eléctrica, Ingeniería Electrónica e Ingeniería de la Información, Ingeniería Eléctrica y Electrónica, Bioelectrónica;

Facultad de Ciencias y Tecnología. Universidad Católica de Asunción - FCT-UCA
Vínculos con la Institución

2013 - 2014 **Investigador asistente** C. Horaria: 40
 Régimen: Dedicación total
 Otras Informaciones: Supervisor: Ph.D. Fernando Brunetti

Actividades

3/2013 - 5/2015 Proyecto de Investigación y Desarrollo, Facultad de Ciencias y Tecnología. Universidad Católica de Asunción
A tool for posturography assessment
 Participación: Integrante del Equipo
 Descripción: We developed a low cost system for the assessment, diagnosis and training of balance based on static posturography and functional electrical stimulation (FES). This system includes low cost technology as the Wii Fit Balance Board and the Kinect. The posturography is a complementary tool to clinical diagnosis, and allows to find sensory systems and inputs degraded by different pathologies. The presented system also allows to explore new rehabilitation techniques based on functional electrical stimulation. Precisely, this paper describes the implementation of a novel balance and posture control rehabilitation approach based on muscle synergies.
 Integrantes: D. Galeano; F. Brunetti;
 Situación: Concluido; Tipo/Clase: Investigacion.
 Alumnos: Pregrado (1);

Facultad de Ingeniería - FIUNA
Vínculos con la Institución

2021 - Actual **Investigador en Machine Learning** C. Horaria: 40
 Régimen: Dedicación tot: *Actividades*

3/2021 - Actual Proyecto de Investigación y Desarrollo, Facultad de Ingeniería
Machine Learning for Drug Discovery
 Participación: Coordinador o Responsable
 Descripción: Desarrollo de metodos de inteligencia artificial para la prediccion de efectos secundarios de medicamentos, y para la prediction de targets moleculares desconocidos. Estas tecnologias tienen aplicacion en la industria farmaceutica y de la medicina computacional.
 Integrantes: D. Galeano(Responsable)
 Situación: En Marcha; Tipo/Clase: Investigacion.
 Alumnos: Pregrado (1);
 Financiadores: COVID-19 International Research Team - COV-IRT (Cooperacion)
 Áreas de Conocimiento: Ingeniería y Tecnología, Ingeniería Eléctrica, Ingeniería Electrónica e Ingeniería de la Información, Ingeniería de Sistemas y Comunicaciones, Inteligencia Artificial;

2014 - 2015 **Docente de Electrónica 2** C. Horaria: 4
 Otras Informaciones: Amplificadores Operacionales

2014 - 2015 **Coordinador de Departamento de Bioelectrónica**

 C. Horaria: **30**

Otras Informaciones: Funciones incluyeron la definición de proyectos de investigación para estudiantes en el área de bioelectrónica, preparación de un programa académico de para subespecialidad en bioelectrónica

Fundação Getúlio Vargas - RJ - FGV/RJ

Vínculos con la Institución

 2020 - 2021 **Postdoctoral Researcher in Data Science**

 C. Horaria: **40**

 Régimen: Dedicación tot; *Actividades*

 9/2020 - Actual Líneas de Investigación, COVID-19 International Research Team
Machine Learning for small molecules against miRNA targets

Participación: Integrante del Equipo

Descripción: Our goal was to develop novel machine learning approaches to change the expression levels of specific miRNA involve in COVID-19 disease progression.

Integrantes: D. Galeano; A. Paccanaro; A. Behesti; R. Meller; J. Schisler; D. Wallace; M. Frieman; T. Treangen; W. Priebe;

7/2020 - 3/2021 Proyecto de Investigación y Desarrollo, Centro de Ingeniería para la Investigación, Desarrollo e Innovación Tecnológica (CIDIT)

Reposicionar medicamentos comerciales seguros en humanos para tratar el COVID-19

Participación: Integrante del Equipo

Descripción: COVID-19, caused by the SARS-CoV-2 virus, has become a leading cause of morbidity and mortality worldwide. Drug repositioning, the process of finding new therapeutic indications for marketed drugs, is a promising alternative to new drug development, with lower costs and shorter development times. We developed two computational approaches that have been designed to assist drug repurposing projects for COVID-19. The aim of these methods is to provide rankings of drugs that can be used for directing experimental research. Our first approach consists of a novel non-negative matrix factorisation algorithm to rank broad spectrum antivirals that have been approved, or are being developed, for viruses. Our second approach, rooted in ideas from network medicine, aims at ranking drugs by estimating the perturbation each drug induces on a subnetwork of the human interactome that is crucial for SARS-CoV-2 infection/replication. Using graph kernels and host proteins weighted by gene expression data from SARS-CoV-2 infected cell lines, we obtained a ranking of 1853 therapeutically diverse FDA-approved drugs. Our experiments show that nine out of 10 of our top predicted broad spectrum antivirals are already indicated for compassionate use in COVID-19 patients worldwide; and that the ranking obtained by our perturbation analysis approach aligns with independent experimental data on in vitro screenings.

Integrantes: D. Galeano; A. Paccanaro; L. Cernuzzi; M. Torres; R. Adorno; A. Galeano;

Situación: Concluido; Tipo/Clase: Investigación.

Alumnos: Pregrado (3); Doctorado (2).

Rheos Medicines Inc. - RHEOS

Vínculos con la Institución

 2021 - 2022 **Consultor en Machine Learning**

 C. Horaria: **10**

Otras Informaciones: Proyectos de colaboración con el grupo de biología computacional del Dr Diogo Camacho

Royal Holloway, University of London - RHUL

Vínculos con la Institución

 2015 - 2019 **Investigador en formación**

 C. Horaria: **40**

Régimen: Dedicación total

Otras Informaciones: Supervisor: Prof Alberto Paccanaro

Actividades

9/2019 - 12/2019 Proyecto de Investigación y Desarrollo, Imperial College London

Drug repositioning for genetic diseases

Participación: Integrante del Equipo

Descripción: Drug repositioning is an attractive cost-efficient strategy for the development of treatments for human diseases. We develop an interpretable model that learns disease self-representations for drug repositioning. Our self-representation model represents each disease as a linear combination of a few other diseases. We enforce proximity in the learnt representations in a way to preserve the geometric structure of the human phenome network-a domain-specific knowledge that naturally adds relational inductive bias to the disease self-representations. We prove that our method is globally optimal and show results outperforming state-of-the-art drug repositioning approaches. We further show that the disease self-representations are biologically interpretable.

Integrantes: D. Galeano; A. Paccanaro; MM Bronstein; F. Frasca; G. Gonzalez;

Situación: Concluido; Tipo/Clase: Investigación.

- 5/2017 - 5/2019 Alumnos: Doctorado (2).
 Proyecto de Investigación y Desarrollo, Royal Holloway, University of London
Predicting the frequencies of drug side effects
 Participación: Integrante del Equipo
 Descripción: A central issue in drug risk-benefit assessment is identifying frequencies of side effects in humans. Currently, frequencies are experimentally determined in randomised controlled clinical trials. We develop a machine learning framework for computationally predicting frequencies of drug side effects. Our matrix decomposition algorithm learns latent signatures of drugs and side effects that are both reproducible and biologically interpretable. We show the usefulness of our approach on 759 structurally and therapeutically diverse drugs and 994 side effects from all human physiological systems. Our approach can be applied to any drug for which a small number of side effect frequencies have been identified, in order to predict the frequencies of further, yet unidentified, side effects. We show that our model is informative of the biology underlying drug activity: individual components of the drug signatures are related to the distinct anatomical categories of the drugs and to the specific drug routes of administration.
 Integrantes: D. Galeano;A. Paccanaro;
 Situación: Concluido; Tipo/Clase: Investigacion.
- 3/2015 - 5/2019 Alumnos: Doctorado (1).
 Proyecto de Investigación y Desarrollo, Facultad de Derecho- Universidad Católica Nuestra Señora de la Asunción
Identificación de cócteles de drogas para el tratamiento de la Enfermedad de Chagas
 Participación: Integrante del Equipo
 Descripción: El objetivo principal del presente trabajo se centra en la predicción de cócteles de drogas con efecto antitripanosomal confirmado laboratorialmente. Asimismo, los modelos matemáticos creados para la predicción contribuirán a la elucidación de la compleja relación genotipo-fenotipo. Dichos modelos podrán también ser útiles a futuro para el tratamiento de otras enfermedades de características similares. Finalmente, se formará a un grupo de jóvenes investigadores en el Paraguay en el área de Bioinformatica.
 Integrantes: D. Galeano;A. Paccanaro; M Torres; J Caceres; R Jimenez; L Cernuzzi;
 Situación: Concluido; Tipo/Clase: Investigacion.
- 3/2016 - 5/2017 Alumnos: Doctorado (3).
 Proyecto de Investigación y Desarrollo, Royal Holloway, University of London
A recommender system approach for predicting drug side effects
 Participación: Integrante del Equipo
 Descripción: The accurate identification of drug side effects represents a major concern for public health. We propose a collaborative filtering model for large-scale prediction of drug side effects. Our approach provides side effects recommendations for drugs to safety professionals. The proposed latent factor model relies solely on the public drug-side effect relationships from safety data. Applied to 1,525 marketed drugs and 2,050 side effect terms, we achieved an AUPRC (area under the precision- recall curve) of 0.342 in a test set, with a sensitivity of 0.73 given a specificity of 0.95, providing state-of-the-art performance in side effect prediction. We analyze the performance of the method on drug-specific Anatomical Therapeutic and Chemical (ATC) category and side effect- specific medical category of disorders. Our findings suggest that latent factor models can be useful for the early and accurate detection of unknown adverse drug events.
 Integrantes: D. Galeano;A. Paccanaro;
 Situación: Concluido; Tipo/Clase: Investigacion.
- 10/2015 - 2/2016 Alumnos: Doctorado (1).
 Proyecto de Investigación y Desarrollo, Royal Holloway, University of London
Drug target prediction using chemical similarities
 Participación: Integrante del Equipo
 Descripción: The growing productivity gap between investment in drug research and development (R&D) and the number of new medicines approved by the US Food and Drug Administration (FDA) in the past decade is concerning. This productivity problem raises the need for innovative approaches for drug-target prediction and a deeper understanding of the interplay between drugs and their target proteins. Chemogenomics is the interdisciplinary field which aims to predict gene/protein/ligand relationships. The predictions are based on the assumption that chemically similar compounds should share common targets. Here, we exploit our understanding of the network-based representation of the protein-protein interaction (PPI network) to introduce a distance between drug-targets and could verify whether it correlates with their chemical similarity. We build a fully connected graph composed of US Food and Drug Administration (FDA) - approved drugs using the Tanimoto 2D similarity based on fingerprints from the SMILES representation of the chemical structure. Our analysis of 1165 FDA-approved drugs indicates that the chemical similarity of drugs predicts the closeness of their targets in the human interactome.
 Integrantes: D. Galeano;A. Paccanaro;
 Situación: Concluido; Tipo/Clase: Investigacion.

Alumnos: Doctorado (1).

 2015 - 2019 **Profesor asistente** C. Horaria: **2**
Yale University - Y.U.
Vínculos con la Institución

 2017 - 2017 **Investigador Asistente** C. Horaria: **40**

Régimen: Dedicación total

 Otras Informaciones: Research visiting for three months at Gerstein Lab <http://www.gersteinlab.org/>
Actividades

2/2017 - 3/2020 **Líneas de Investigación, Yale University**
Interpretability of latent factor models
 Participación: Integrante del Equipo
 Descripción: I have been developing constrained latent factor models for drug sideeffect prediction, exploiting concepts from the machine learning area of recommendation systems.
 Although my method provided good performance, the disadvantage of my model was a set of hidden features lacking biological interpretation. A fundamental question to answer in order to understand drug activity at population-level.
 The biological expertise of the post-doctoral researchers Dr. Shantao Li and Dr. Chengfei Yan at Gerstein lab helped me to formulate the first hypothesis about the biological meaning of these hidden features in my model. The features could be encapsulating pathways, cellular processes or even cross talk among organs. The answer was not obvious given the variability in drug activity and the incomplete understanding of their mechanism of action. In spite of these limitations, we found that the hidden features were relate to the main therapeutic action of the drug, e.g. only neural system drugs activates in feature 1 and only anti-cancer drugs activates in feature 2. We notice then that we could characterize each drug activity by a phenotypic signature. In fact, we went even further to show that the drug signatures are also related to molecular activity, drug indication, and even drug-drug interactions.
 Integrantes: D. Galeano;S. Li; C Yan; M. Gerstein; A. Paccanaro;

Significado de su trabajo en el contexto de los principales problemas planteados en su área:

Mi interés principal se centra en el desarrollo y aplicación de modelos de Inteligencia Artificial (IA) a problemas de impacto en las áreas de biología, medicina, agricultura y ciencias sociales.

Mis líneas de investigación incluyen el desarrollo de métodos de aprendizaje máquina (del inglés, machine learning) para optimizar procesos y reducir costos en la industria de descubrimiento de medicamentos. Este proceso de I+D implica realizar costosos experimentos en laboratorios de alta tecnología para descubrir fármacos efectivos contra enfermedades. La IA puede utilizarse en varias etapas en este proceso. Un ejemplo en el que he dedicado cierto esfuerzo consiste en la predicción de efectos secundarios de medicamentos y su frecuencia en la población.

Me encuentro además participando en consorcios internacionales como COV-IRT (<https://www.cov-irt.org/>), donde desarrollo métodos de IA como solución general para enfrentar futuras pandemias, exon20 (<https://exon20group.org/>), donde buscamos descubrir fármacos efectivos contra tipos de cáncer específicos, y AWG GeneLab NASA (<https://genelab.nasa.gov/awg/charter>), donde existen varios proyectos relacionados a la biología espacial y los desafíos que enfrenta la NASA.

He realizado mi Ph.D. en Computer Science en la Royal Holloway, University of London bajo la supervisión del Prof. Alberto Paccanaro. Mi línea de investigación doctoral se centró en el desarrollo de métodos de machine learning para la predicción de efectos secundarios no conocidos causados por medicamentos en el mercado. Alrededor de 200.000 personas mueren cada año debido a dichos efectos adversos. Además, se sabe que el proceso de elaboración de un fármaco puede costar US\$1.8 billones con una duración estimada de 15 años. Desafortunadamente, la gran mayoría de los efectos secundarios son detectados luego de que el fármaco se encuentre en el mercado. Por tanto, la predicción de los efectos secundarios ayudara a la detección temprana de efectos adversos a ser testeados en laboratorio. En esta línea, hemos generado 2 publicaciones en conferencias internacionales, y 1 publicación de alto impacto en la revista Nature Communications. Parte de este trabajo fue realizado en colaboración con el Dr Shantao Li (Stanford) y el Prof Mark Gerstein (Yale).

Producción Técnica

Cursos de corta duración dictados

- D. Galeano Diseño de Placas de Circuito Impreso con Orcad Layout , 2015. (Extensión extracurricular)**
 Áreas de Conocimiento: Ingeniería y Tecnología, Ingeniería Eléctrica, Ingeniería Electrónica e Ingeniería de la Información, Ingeniería Eléctrica y Electrónica, ;
 Referencias adicionales: Paraguay/Español; Medio: Otros.
 Institución promotora/financiadora: Facultad de Ingeniería
 Participación: Organizador. Lugar: Salón Auditorio, CITEC - FIUNA . Ciudad: Luque.
- D. Galeano Editor de textos Científicos con LATEX, 2015. (Especialización)**
 Áreas de Conocimiento: Ingeniería y Tecnología, Ingeniería Eléctrica, Ingeniería Electrónica e Ingeniería de la Información, Ingeniería Eléctrica y Electrónica, ;
 Referencias adicionales: Paraguay/Español; Medio: Otros.
 Institución promotora/financiadora: Facultad de Ingeniería
 Participación: Docente. Lugar: CITEC - FIUNA. Ciudad: San Lorenzo.

Producción Bibliográfica

Artículos publicados en revistas científicas

Artículos completos publicados en revistas arbitradas

- SS Santos; M Torres; D. Galeano; MM Sanchez; L Cernuzzi; A. Paccanaro; (RELEVANTE) Machine learning and network medicine approaches for drug repositioning for COVID-19, Cell Patterns, 2022.**
 Medio: Internet. ISSN/ISBN: 2666-3899
- Francisco J Enguita; Leitão AL; J. Tyson McDonald; Viktorija Zaksas; Das S; D. Galeano; Deanne Taylor; Eve Syrkin Wurtele; Amanda Saravia-Butler; Stephen B. Baylin; R Meller; Porterfield DM; D Wallace; J Schisler; Christopher E. Mason; A Behesti; (RELEVANTE) The interplay between lncRNAs, RNA-binding proteins and viral genome during SARS-CoV-2 infection reveals strong connections with regulatory events involved in RNA metabolism and immune response, Theranostics, 2022.**
 Áreas de Conocimiento: Ciencias Naturales, Ciencias Biológicas, Virología, ; Ingeniería y Tecnología, Otras Ingenierías y Tecnologías, Otras Ingenierías y Tecnologías, ;
 Medio: Internet. ISSN/ISBN: 1838-7640
- J. Tyson McDonald; Francisco J Enguita; Deanne Taylor; Robert J.Griffin; Waldemar Priebe; Mark R.Emmett; Mohammad M.Sajadi; Anthony D. Harris; Jean Clement; Joseph M.Dybas; Nukhet Aykin-Burns; Joseph W. Guarnieri; Larry N. Singh; Peter Grabham; Stephen B. Baylin; Aliza Yousey; Andrea N. Pearson; Peter M. Corry; Amanda Saravia-Butler; Thomas R. Aunins; Sadhana Sharma; Prashant Nagpal; Cem Meydan; Jonathan Foox; Christopher Mozsary; Bianca Cerqueira; Viktorija Zaksas; Urminder Singh; Eve Syrkin Wurtele; Sylvain V. Costes; Gustavo Gastão Davanzo; D. Galeano; A Paccanaro; Suzanne L. Meinig; Robert S. Hagan; Natalie M. Bowman; UNC COVID-19 Pathobiology Consortium; Matthew C. Wolfgang; Selin Altinok; Nicolae Sapoval; Todd J. Treangen; Pedro M. Moraes-Vieira; Charles Vanderburg; Douglas C. Wallace; Jonathan C. Schisler; Christopher E. Mason; Anushree Chatterjee; Robert (RELEVANTE) Role of miR-2392 in driving SARS-CoV-2 infection, Cell Reports, 2021.**
 Medio: Internet. ISSN/ISBN: 2211-1247
- D. Galeano; S. Li; M. Gerstein; A. Paccanaro; (RELEVANTE) Predicting the Frequencies of Drug Side effects, Nature Communications, 2020.**
 Medio: Internet. ISSN/ISBN: 2041-1723
- D. Galeano; F. Brunetti; D. Torricelli; S. Piazza; (RELEVANTE) A tool for balance control training using muscle synergies theory and multimodal interfaces, BioMed Research International Hindawi, v. 2014, p. 1-13, 2014.**
 Medio: Internet. ISSN/ISBN: 2314-6133

Documentos de trabajo

- D. Galeano; S Noto; R Jimenez; A Paccanaro; Interpretable Drug Target Predictions using Self-Expressiveness, 2021.**
 Medio: Internet.
- D. Galeano The great deceiver: miR-2392's hidden role in driving SARS-CoV-2 infection, 2021.**
 Áreas de Conocimiento: Ciencias Naturales, Ciencias Biológicas, Virología, ; Ingeniería y Tecnología, Otras Ingenierías y Tecnologías, Otras Ingenierías y Tecnologías, Inteligencia Artificial;
 Medio: Internet.
- D. Galeano; A Paccanaro; Predicting the frequency of drug side effects, 2019.**
 Medio: Internet.
- D. Galeano; A Paccanaro; The Geometric Sparse Matrix Completion Model for Predicting Drug Side effects, 2019.**
 Medio: Internet.

Textos en publicaciones no científicas

- D. Galeano La IA humanizará la medicina, Revista FOCO de La Nacion, 2020.**
 Medio: Internet.

- A. Insaurralde; D. Galeano; C. V. Lücken; El dilema de la Inteligencia Artificial en Paraguay, Revista FOCO de la Nacion, 2020.**
Medio: Internet.

Trabajos en eventos

Trabajos completos en anales de eventos

- R Galeano; D. Galeano; J Ovelar; L Fretes; F. Brunetti; C Villalba; Datos preliminares en pacientes patológicos con hemiparesia en un sistema de posturografía de bajo costo. In: 2019 Iberdiscap X Congreso Iberoamericano de Tecnologías de Apoyo a la Discapacidad, 2019 Buenos Aires 2019.**
Medio: Internet.
- F Frasca; D. Galeano; G Gonzalez; I Laponogov; K Veselkov; A Paccanaro; MM Bronstein; Learning Interpretable Disease Self-Representations for Drug Repositioning. In: Conference on Neural Information Processing Systems (neurIPS), 2019 Vancouver, Canada 2019.**
Medio: Internet.
Observaciones: Presented at the Graph Representation Learning Workshop
- D. Galeano; A. Paccanaro; A recommender system approach for predicting drug side effects. In: 2018 International Joint Conference on Neural Networks (IJCNN), 2018 Rio de Janeiro 2018.**
Medio: Internet. ISSN/ISBN: 2161--440
- H. Caniza; D. Galeano; A. Paccanaro; Mining the Biomedical Literature to predict shared drug targets in drugbank. In: 2017 XLIII Latin American Computer Conference (CLEI), 2017 Cordoba 2017.**
Medio: Internet.
- R Galeano; J Ovelar; I Fuster; D. Galeano; F. Brunetti; Primeros datos y observaciones sobre métricas de un sistema de bajo costo de valoración del control postural. In: Iberdiscap 2017: XI Congreso Iberoamericano de Tecnologías de Apoyo a la Discapacidad, 2017 Bogota XI Congreso Iberoamericano de Tecnologías de Apoyo a la Discapacidad. 2017.**
Medio: Internet.
- D. Galeano; A. Paccanaro; Drug targets prediction using chemical similarity. In: 2016 XLII Latin American Computing Conference (CLEI), 2016 Valparaiso, Chile 2016.**
Medio: Internet.
- D. Galeano; F. Brunetti; D. Torricelli; S. Piazza; Plataforma multimodal de bajo costo de evaluacion y rehabilitacion del control postural. In: VI Jornadas AITADIS de Tecnologías de Apoyo a la Discapacidad, 2014 Asunción, Paraguay 2014.**
Medio: Otros.
- D. Galeano; F. Brunetti; D. Torricelli; S. Piazza; A low cost platform based on fes and muscle synergies for postural control research and rehabilitation. In: International Congress on Neurotechnology, Electronics and Informatics, 2013 Algarbe, Portugal 2013.**
Áreas de Conocimiento: Ingeniería y Tecnología, Ingeniería Médica, Ingeniería Médica, ;
Medio: Internet.

Libros y capítulos de libros publicados

Capítulos de libros publicados

- D. Galeano; F. Brunetti; D. Torricelli; S. Piazza; Posturography platform and balance control training and research system based on FES and muscle synergies (en prensa). In: (Org.). Neurotechnology, Electronics, and Informatics, Switzerland, Springer International Publishing Switzerland, Ed. 1, 2013, v. 13, p. 1-110, ISSN/ISBN: 2197-1900**
Medio: Internet.
ISSN/ISBN: 2197--190
Palabras Clave: posturography; balance; control; neurotechnology; electronics;

Evaluaciones

Tutorías/Orientaciones/Supervisiones

En Marcha

Tesis/Monografías de grado

- Rafael Adorno, - Cotutor o Asesor - Un enfoque de Inteligencia Artificial para la prediccion de medicamentos antivirales para la COVID-19, 2021**
Tesis/Monografía de grado (Tesis de Grado) , FIUNA - Facultad de Ingeniería, Paraguay
País: Paraguay / Idioma: Español

Otras Referencias

Premiaciones

- 2019 Best Presentation, Annual Computer Science Colloquium at Royal Holloway (internacional), Royal Holloway, University of London**
Title: Predicting the Frequencies of Drug Side Effects

- 2 **2017 Santander Travel Award for Research at Yale University (internacional), Royal Holloway, University of London**
Research funding to visit Prof Mark Gerstein at Yale University
- 3 **2017 Best Presentation, Annual Computer Science Colloquium at Royal Holloway (internacional), Royal Holloway, University of London**
Title: Signatures of drug side effects in human phenotype
- 4 **2016 Best Poster, Annual Computer Science Colloquium at Royal Holloway (2016) (nacional), Royal Holloway, University of London**
Drug target prediction using chemical similarity
- 5 **2015 Becas de Postgrado en el Exterior Don Carlos Antonio Lopez (nacional), Programa Nacional de Postgrado en el Exterior Don Carlos Antonio López, Unidad Ejecutora (UEP), Ministerio de Hacienda**
Becas para cursar postgrado en la Universidad de Londres, Royal Holloway
- 6 **2014 Premio por apoyo a la investigación (nacional), Facultad de Ciencias y Tecnología. Universidad Católica de Asunción**
Reconocimiento por el apoyo a la investigación, publicación científica y estancias durante tesis de grado
- 7 **2014 Mejor Egresado de la Carrera de Ingeniería Electrónica Promoción 2014 (nacional), Facultad de Ciencias y Tecnología. Universidad Católica de Asunción**

Indicadores

Producción Técnica	2
Cursos de corta duración dictados	2
Extensión extracurricular	1
Especialización	1
Producción Bibliográfica	20
Artículos publicados en revistas científicas	5
Completo en revistas arbitradas	5
Completo en revistas NO arbitradas	0
Documentos de trabajo	4
Completo	4
Textos en publicaciones no científicas	2
Revista	2
Trabajos en eventos	8
Completo	8
Libros y capítulos de libros publicados	1
Capítulo de libro publicado	1
Tutorías	1
En Marcha	1
Tesis/Monografía de grado	1
Otras Referencias	7
Otros datos Relevantes	7